

Zapotrzebowanie na badania laboratoryjne

Sekwencjonowania RNA z materiału od pacjentów

Celem badania jest wygenerowanie globalnego profilu ekspresji poprzez sekwencjonowanie RNA z materiału od pacjentów biorących udział w projekcie naukowym.

1. Liczba próbek/pacjentów **90**
2. Badanie wykonywane w etapach –**Próbki dostarczane po 20-40 w 5-10 etapach.**
3. Próbki pobiera – **Zamawiający**
4. Próbki znakuje (np. kodami kreskowymi) - **Zamawiający**
5. Miejsce przechowywania próbek **Material w postaci RNA przechowywany w -70°C w probówkach Leukolock**
6. Miejsce odbioru próbek **Transport przesyłką kurierską do laboratorium na koszt Zamawiającego**
7. Szczegółowe informacje dotyczące próbek **Material w probówkach określonego rodzaju (Leukolock)**
8. Odbiór wyników badań: **elektronicznie**
9. Niezbędna aparatura: **NovaSeq6000 2x100**
10. Systemy do pobrań materiału dostarcza Wykonawca ~~TAK~~/**NIE***