**OPIS PRZEDMIOTU ZAMÓWIENIA**

1. Przedmiotem zamówienia jest usługa sekwencjonowania DNA metodą Sangera z próbek DNA przygotowywanych w doświadczeniach Instytutu Biologii, Biotechnologii i Ochrony Środowiska Wydziału Nauk Przyrodniczych, ul. Jagiellońska 28, Katowice.
2. Usługa obejmuje standardową długość odczytów 500-800 nukleotydów, z możliwością odczytów extra long o długości 1000-1100 nukleotydów w zależności od jakości matrycy.
3. Usługa obejmuje również sekwencjonowanie trudnych matryc wymagających specjalnych protokołów lub specjalnych zestawów odczynników. Są to matryce zawierające struktury typu spinki do włosów, matryce bogate w pary GC oraz zawierające motywy powtarzalne i ciągi pojedynczych zasad.
4. Usługa obejmuje także oczyszczenie produktu PCR z nadmiaru starterów lub nukleotydów pozostałych po reakcji PCR np. za pomocą zestawu Exo-Sap.
5. Przedmiotem zamówienia jest świadczenie usług badawczych związanych z sekwencjonowaniem prób DNA, zgodnie z poniższymi wytycznymi:

* W ramach usługi możliwość wyboru kilku opcji przesyłania matryc: w pojedynczych probówkach, w stripach 8-probókowych lub na płytkach 96 dołkowych;
* Matryce wraz ze starterami i zdjęciem żelu będą wysyłane **pocztą kurierską na koszt Wykonawcy**. Przesyłka próbek z opcją dostawy do Wykonawcy w godzinach porannych (do 10:00 dnia następnego po dniu wysłania próbek)[[1]](#footnote-1);
* Opis próbek do sekwencjonowania wykonywany jest za pośrednictwem formularza znajdującego się na stronie internetowej Wykonawcy;
* Zamawiający może śledzić na bieżąco status procesowania próbki (w szczególności: dotarcie próbki do Wykonawcy, przekazanie próbki do sekwencjonowania, ewentualne powtórki, wydanie wyniku);
* Wyniki reakcji sekwencjonowania i rozdziału elektroforetycznego będą umieszczone przez Wykonawcę na jego stronie internetowej w formie pliku tekstowego i fluorogramu w formacie .abi otwieranego np. przez program FinchTV i Chromas;
* Zamawiający będzie posiadał na stronie Wykonawcy swoje indywidualne spersonalizowane konto zabezpieczone hasłem. Za pośrednictwem konta Zamawiający będzie mógł śledzić historię wszystkich zleceń sekwencjonowania i faktur.
* Czas wykonania zlecenia maksymalnie do 2 dni roboczych od momentu dostarczenia próbek do Wykonawcy za pośrednictwem kuriera wyznaczonego przez Wykonawcę, a zamówionego przez Zamawiającego.
* W przypadku gdy za pierwszym razem nie otrzymano wyniku, przeprowadzenie drugiego badania (jednego powtórzenia sekwencjonowania), które Wykonawca winien uwzględnić w cenie oferty.
* Wykonawca, który oświadczy, że zapewni bezpłatnie kolejne, dodatkowe powtórzenie sekwencjonowania w przypadku nie otrzymania wyniku przy pierwszym i drugim badaniu otrzyma punkty w kryterium oceny ofert: „dodatkowa próba” zgodnie z rozdz. VII, ust 2. pkt 4) Ogłoszenia o zamówieniu.
* W przypadku nieotrzymania wyniku przy pierwszym i drugim sekwencjonowaniu (a gdy Wykonawca zaoferował w ofercie, nieodpłatnie kolejne (trzecie) powtórzenie sekwencjonowania, również i przy trzeciej próbie), Zamawiający ma prawo zgłosić reklamację na koszt Wykonawcy.
* Każde kolejne sekwencjonowanie Wykonawca powinien przeprowadzić w czasie nie dłuższym niż 2 dni robocze od poprzedniej próby uzyskania wyniku.
* Miejsce przygotowania i nadania próbek: Instytut Biologii, Biotechnologii i Ochrony Środowiska Wydziału Nauk Przyrodniczych, ul. Jagiellońska 28, Katowice. Wykonawca wykona sekwencjonowania w jednym laboratorium, zgodnie z wymogami określonymi w opz.

1. Przedmiot zamówienia winien być realizowany przez podmiot posiadający certyfikat wystawiony nie wcześniej niż 2 lata przed upływem terminu składania ofert, potwierdzający biegłość i rzetelność wykonywania techniki sekwencjonowania DNA, wydany przez międzynarodową organizację kontroli jakości, posiadającą akredytację spełniającą normę ISO 17043 (akredytacja organizatorów badań biegłości) lub równoważną, wydaną przez jednostkę akredytującą postępującą zgodnie ze standardami zawartymi w normie ISO/IEC 17011.
2. Minimalny poziom zamówienia:

- dla sekwencjonowania standardowego: 180 szt.

- dla sekwencjonowania extra long run: 230 szt.

- sekwencjonowania trudnych matryc: 10 szt.

- usług oczyszczania matrycy: 420 szt.

1. Opcjonalnie – zgodnie z oświadczeniem Wykonawcy. [↑](#footnote-ref-1)